

CARACTERIZACIÓN DEL MICROBIOTA INTESTINAL DE PARAGUAYOS



La mayoría de los estudios que vinculan el microbioma intestinal con la fisiología de las personas se han centrado en poblaciones de países desarrollados. Sin embargo, la genética, el estilo de vida y la dieta juegan un papel clave en el establecimiento del microbioma intestinal. Esto destaca la necesidad de considerar la diversidad humana de las poblaciones subrepresentadas, entre ellas, la del Paraguay. Para llenar este vacío, *GeneBiome*, con el apoyo de la *Clínica Masquelier*, la *Sociedad Paraguaya de Microbiota, Probióticos y Prebióticos* (SPMPyP), y *FACEN-UNA*, realizaron el primer estudio de microbioma intestinal de una cohorte paraguaya a través de la secuenciación de 16S rRNA.

Para este trabajo, se evaluaron muestras fecales de 60 participantes del Área Metropolitana de Asunción, teniendo en cuenta su índice de masa corporal, sexo, edad, dieta, estilo de vida e historia clínica. Los resultados están siendo analizados serán muy pronto enviados a revistas científicas para su publicación.

Método: secuenciación del gen 16S rRNA V4-V5, Illumina MiSeq en el Core Microbiome de University of North Carolina at Chapel Hill, EE.UU.

Muestras:

Total	60
Hombres	16
Mujeres	44
Obesos	30
Delgados	30
Edad 19 a 23	5
Edad 24 a 28	14
Edad 29 a 33	13
Edad 34 a 38	13
Edad 39 a 43	13
Edad 44 a 48	4
Edad 54 a 58	2

Resultados preliminares:

- Diferencias significativas respecto a la diversidad microbiana entre obesos y personas con peso normal.
- Diferencias en la estructura de la comunidad entre hombres y mujeres.
- El microbiota intestinal estuvo relacionado con la dieta, los hábitos y el estado de salud de las personas estudiadas.

Figura de ejemplo:



Agradecimientos y partners: Clínica Masquelier, Sociedad Paraguaya de Microbiota, Probióticos y Prebióticos (SPMPyP), y FACEN-UNA.